

Supplementary 3.

Methylation percentages of *LEP* promoter CpG sites (1–17) in placentas from normal-BMI and obese pregnant women.

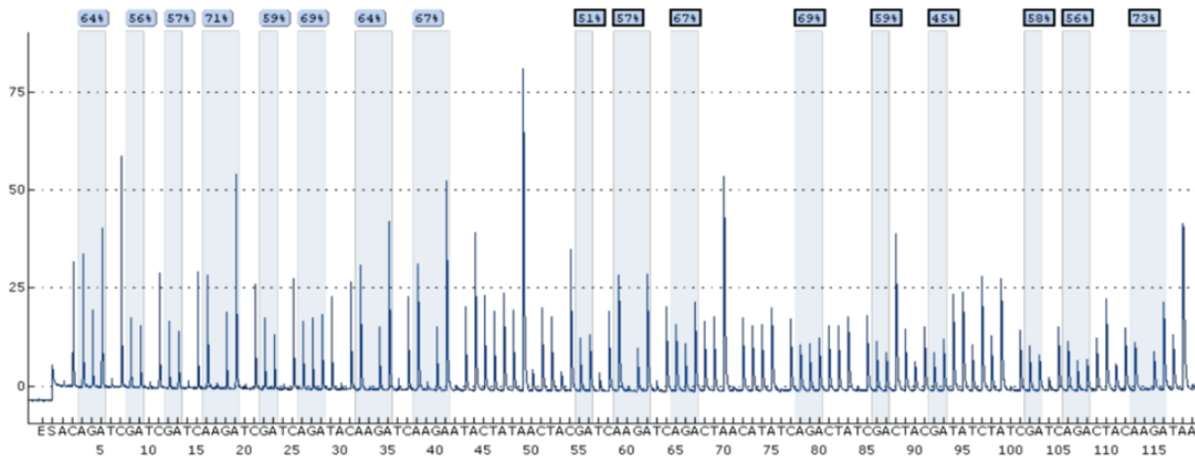
Sequence to analyse :

CRAACCRCRCRAAACRCRATCRAAACRAAAATAACTATAAAAACTCCRCRAAACRAACTAAACATACRACRCCCTCRTTAATCCTAACRCACTTCRAAATAAAAAAC

No	Sampel	Methylation Percentage (%)																
		1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16	17
1	O-1	64	48	48	64	54	73	63	74	38	44	66	71	54	43	52	52	64
2	O-2	64	56	57	71	59	69	64	67	51	57	67	69	59	45	58	56	73
3	O-3	53	49	47	62	55	64	54	60	49	51	62	68	62	40	62	52	68
4	O-4	71	67	66	79	63	76	73	75	50	63	73	75	60	50	58	58	78
5	O-5	66	65	46	77	66	71	73	71	61	9	71	74	57	52	64	73	64
6	O-6	59	51	42	71	53	68	61	57	37	43	64	68	50	34	52	59	30
7	O-7	68	63	60	78	62	66	72	72	21	57	55	70	63	54	65	75	65
8	O-8	47	50	33	69	51	59	68	58	48	43	61	63	51	44	76	63	22
9	O-9	62	55	49	73	64	61	69	64	44	58	1	72	57	52	57	65	59
10	O-10	67	65	56	77	58	72	73	68	66	62	69	71	54	45	68	72	65
11	O-11	61	59	50	74	59	70	67	68	49	53	71	71	57	47	59	83	58
12	O-12	65	63	44	75	53	61	64	66	53	50	73	72	58	53	74	76	65
13	O-13	60	54	41	66	52	63	59	69	42	50	67	69	57	44	57	82	64
14	O-14	65	51	42	72	61	58	56	57	41	40	62	67	58	45	61	68	76
15	O-15	57	49	38	68	54	61	65	62	48	47	68	68	58	45	57	63	80
16	O-16	50	51	29	75	63	67	53	60	40	51	63	68	49	40	78	82	65
17	O-17	58	59	50	72	69	73	73	69	51	47	68	68	58	47	75	69	65
18	O-18	72	68	57	81	70	76	79	75	43	51	72	74	58	52	59	74	65
19	O-19	76	62	50	79	62	74	80	80	49	54	76	77	63	49	87	87	65
20	O-20	60	60	51	76	61	71	65	70	50	54	72	73	59	46	60	73	65
21	O-21	43	44	37	66	49	59	48	47	41	31	52	60	55	45	49	39	65
22	O-22	53	55	36	74	62	68	64	67	44	57	72	70	60	51	61	75	65
23	O-23	61	62	54	71	62	68	66	67	53	56	71	72	44	46	72	52	61
24	O-24	43	45	32	65	59	55	51	58	38	36	53	58	52	39	51	60	65
25	O-25	57	54	51	69	59	67	59	72	39	50	68	73	56	54	54	63	61
26	O-26	58	58	33	68	59	63	66	62	48	58	68	67	55	45	53	69	60
27	O-27	67	66	44	74	64	72	66	67	52	62	69	71	62	47	58	72	59
28	O-28	62	48	33	70	58	66	65	62	45	42	61	65	54	46	53	69	65
29	O-29	63	60	43	74	54	71	68	67	45	54	67	69	57	42	60	50	63
30	O-30	71	66	58	76	68	77	72	70	49	60	70	75	65	55	65	70	67
31	O-31	67	68	57	84	67	76	77	76	55	59	80	79	63	53	60	61	65
32	O-32	72	70	68	80	68	79	76	74	50	68	73	75	60	47	61	66	61
33	O-33	76	73	66	84	70	79	79	80	56	60	80	78	65	53	62	75	65
34	O-34	62	62	42	71	64	69	65	67	52	63	68	69	60	47	56	61	62
35	O-35	63	66	40	69	61	67	68	65	51	52	66	68	56	48	56	79	65
36	N-1	62	52	49	76	60	65	66	62	48	51	67	73	57	45	56	72	65
37	N-2	62	59	51	70	55	64	67	67	48	55	67	68	54	46	72	61	27
38	N-3	62	57	51	73	56	67	69	67	33	64	58	71	46	48	74	65	65
39	N-4	53	50	42	70	54	61	59	58	42	48	58	66	49	41	53	51	69
40	N-5	61	55	45	72	58	61	67	65	47	55	66	69	54	47	60	58	34
41	N-6	68	61	58	75	64	72	70	68	50	55	68	71	59	49	71	61	17
42	N-7	61	52	40	77	55	67	68	67	47	51	69	71	56	46	55	59	71
43	N-8	61	55	37	77	57	72	67	70	46	53	69	73	59	45	60	74	65
44	N-9	68	62	41	79	59	74	71	75	48	57	72	73	59	45	73	81	65
45	N-10	61	58	49	73	56	68	68	64	47	52	68	68	59	45	71	78	65
46	N-11	59	54	40	71	56	65	64	65	53	54	65	67	57	44	61	68	65
47	N-12	55	52	44	67	54	63	55	60	47	49	63	63	47	44	68	65	65
48	N-13	53	49	42	68	48	63	56	56	44	44	58	64	54	41	54	49	0
49	N-14	53	51	42	69	55	62	59	59	42	47	60	64	41	42	64	59	65
50	N-15	54	50	36	66	49	60	54	57	44	41	58	63	53	40	56	58	65
51	N-16	54	49	42	69	50	60	55	58	43	44	63	77	56	40	51	47	66
52	N-17	57	55	42	72	53	67	60	61	44	46	62	67	54	38	63	42	63
53	N-18	67	63	53	74	60	71	69	67	48	54	65	69	53	47	57	61	75
54	N-19	65	62	54	75	60	72	70	68	55	54	69	71	55	65	66	57	65
55	N-20	67	64	54	77	60	74	72	68	52	56	68	71	57	49	56	62	67
56	N-21	64	60	51	74	58	70	67	65	51	53	66	71	56	48	56	60	40
57	N-22	62	58	52	75	62	72	67	68	52	57	69	71	58	47	58	55	50
58	N-23	52	52	44	64	50	60	58	56	44	45	55	58	48	42	52	48	91
59	N-24	60	58	48	73	59	71	65	66	49	55	68	70	56	45	57	59	64
60	N-25	64	61	52	74	57	71	69	67	50	55	67	70	56	48	55	53	64
61	N-26	65	62	53	74	59	72	69	68	52	55	66	69	56	46	55	60	76
62	N-27	64	61	52	75	58	73	70	68	47	56	56	71	66	53	56	66	88
63	N-28	64	60	54	76	59	65	64	68	50	56	68	71	57	48	57	70	70
64	N-29	65	63	54	75	61	72	69	67	51	57	68	71	56	47	56	73	53
65	N-30	64	61	53	74	59	71	68	67	50	56	67	70	55	45	56	61	67
66	N-31	64	62	51	74	59	71	69	66	51	56	66	69	55	47	55	57	64
67	N-32	63	60	50	73	56	70	66	65	48	54	66	69	54	45	55	56	54
68	N-33	62	59	51	73	57	70	67	66	48	53	66	68	51	42	53	71	65
69	N-34	64	63	51	75	60	71	69	67	50	56	67	71	56	48	56	62	76
70	N-35	63	60	53	73	60	69	67	67	49	56	66	70	55	46	55	60	75

Supplementary 4.

Representative pyrosequencing profiles of the LEP promoter in placental DNA from obese pregnancies. Peaks correspond to CpG sites 1–17 with their respective methylation percentages.



Sequence to analyze:

CRAAC**C**R**C**RAAA**C**R**A**T**C**RAAA**C**RAAAATAACTATAAAAA**A**CT**C**CR**A**AA**C**RAACTAAAACATA**C**RA**A**CT**A**C**R**CC**C**T**R**TTAATCCTA**A**C**R**
RACT**T**CR**A**AATA**A**AA**A**C

Position	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13
Quality	Passed	Passed	Passed	Passed	Passed	Passed	Passed	Passed	Passed	Passed	Passed	Passed	Passed
Meth (%)	64	56	57	71	59	69	64	67	51	57	67	69	59

Position	14	15	16	17
Quality	Passed	Passed	Passed	Passed
Meth (%)	45	58	56	73